

[PT](#)

[EN](#)

I. PT

## ANÚNCIO

### MANIFESTAÇÃO DE INTERESSE PARA RECRUTAMENTO DE UM BIOINFORMÁTICO/INFORMÁTICO (M/F) (CONTRATO DE TRABALHO)

Ref<sup>a</sup> interna: BIOINFORMÁTICO\_NGS\_CTC\_iXLab

O **Centro de Excelência** para a promoção de **Inovação em Resiliência Biológica**, parceria entre a Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa e o Exército português, atua na área da gestão de risco biológico para a prevenção e resposta a futuras ameaças securitárias à sociedade, economia, saúde e soberania nacional.

**Missão** – Inovação disruptiva para a deteção e controlo eficiente de novas ameaças biológicas; **Valores** - Excelência, Qualidade e Rigor, Inovação e Criatividade, Espírito Colaborativo e de Missão, Responsabilidade Social.

O **CTC\_iXLab** procura um novo membro para a nossa equipa que seja altamente qualificado e experiente em *Next-Generation Sequencing* (NGS). Se gosta da análise de dados, desenvolvimento de novas ferramentas de software, projetos emocionantes, explorar o poder dos dados genómicos em áreas como genética, medicina personalizada e biologia molecular, esta é a oportunidade perfeita para si!

Se for o candidato selecionado juntar-se-á a uma equipa multidisciplinar para o desenvolvimento de diversos projetos e serviços para clientes governamentais e privados. Os projetos e serviços incluem o diagnóstico de doenças infecciosas, vigilância biológica, genómica, microbiologia, virologia, e ciências forenses.

#### **Descrição / Perfil – Principais responsabilidades:**

Como Bioinformático/Informático experiente em NGS, será responsável por analisar, interpretar e extrair informações importantes dos dados obtidos na sequenciação de última geração. Irá desempenhar tarefas como:

- Realizar análise bioinformática de dados de sequenciação de nova geração (NGS) utilizando ferramentas e algoritmos especializados;

- Interpretar e analisar os resultados de forma a fornecer insights valiosos para os projetos e serviços;
- Desenvolver *pipelines* e fluxos de trabalho para processamento e análise de dados de origem biológica e epidemiológica;
- Trabalhar em colaboração com a equipa para a resolução de desafios científicos complexos, de acordo com as necessidades dos projetos e serviços;
- Manter-se atualizado sobre as últimas tecnologias e desenvolvimentos na área de bioinformática e genómica;
- Prestar apoio técnico ao software de análise de dados NGS, apoio na análise de dados NGS, realizar análise estatística e produzir relatórios científicos de alta qualidade;
- Instalar, configurar e resolver problemas de software NGS;
- Gestão da infraestrutura informática (servidores, redes, equipamentos de Hardware e Software, armazenamento de dados, entre outros);
- Elaborar procedimentos operacionais;
- Reporte à equipa de coordenação do laboratório.

### Requisitos:

Procuramos alguém entusiasta, com espírito de missão, altamente organizado e motivado para integrar um projeto de excelência, inovador e de elevado impacto.

Deve demonstrar capacidades excecionais na área da Bioinformática/Informática em biologia molecular e genómica.

O que pretendemos:

- Formação académica em bioinformática, biologia computacional, biologia, genética ou área relacionada;
- Ter trabalhado em ambiente empresarial (preferencial, mas não eliminatório);
- Experiência comprovada em processamento e análise de dados de biodiversidade, ecológicos ou de sequenciação de nova geração;
- Domínio de ferramentas de análise bioinformática e *pipelines*;
- Conhecimentos em linguagem de programação como Python, R, Perl, Java ou Bash e programas bioestatísticos;
- Experiência de trabalho em bases de dados genómicas, como *UCSC Genome Browser*, *Ensembl*, *dbSNP*, *PATRIC*, etc.
- Experiência de computação de alto desempenho/alta disponibilidade (preferencial, mas não eliminatório);
- Elevada capacidade de resolução de problemas, comunicação e trabalho em equipa;
- Capacidade de gerir prazos e prioridades num ambiente dinâmico;
- Capacidade de resiliência e flexibilidade a novas situações;
- Ter capacidade de trabalhar de forma autónoma, independente e com domínio da língua inglesa (falada e escrita).



**Oferecemos:**

Oferecemos um ambiente de trabalho estimulante e colaborativo, com a oportunidade de trabalhar em projetos de ponta e contribuir para descobertas científicas importantes e de elevado impacto societal.

Local de trabalho: Faculdade de Ciências da Universidade de Lisboa, Lisboa, Portugal.

Deve ser enviado um CV detalhado, carta de motivação, certificados de habilitações académicas e de experiência profissional. Os documentos devem ser enviados para [fmsilva@ciencias.ulisboa.pt](mailto:fmsilva@ciencias.ulisboa.pt)

Se quiser enfrentar desafios empolgantes e fazer parte de uma equipa dedicada à área do risco biológico e da genómica, responda a este anúncio com o assunto "Bioinformático - NGS".

Aguardamos a sua candidatura!

## II. EN

### ANNOUNCEMENT

### EXPRESSION OF INTEREST FOR THE RECRUITMENT OF A BIOINFORMATICIAN (M/F) (EMPLOYMENT CONTRACT)

Internal Reference: BIOINFORMATICO\_NGS\_CTC\_iXLab

The **Centre of Excellence for the Promotion of Innovation in Biological Resilience**, a partnership between the Faculty of Science of the University of Lisbon and the Portuguese Army, works in the field of biological risk management to prevent and respond to future security threats to society, economy, health and national sovereignty.

**Mission** - Disruptive innovation for the efficient detection and control of emerging biological threats; **Values** - Excellence, Quality and Rigour, Innovation and Creativity, Collaborative Spirit and Mission, Social Responsibility.

**CTC\_iXLab** is looking for a new member of our team who is highly qualified and experienced in Next-Generation Sequencing (NGS). If you enjoy data analysis, developing new software tools, exciting projects and exploring the power of genomic data in areas such as genetics, personalized medicine and molecular biology, this is the perfect opportunity for you!

If selected, you will join a multidisciplinary team to develop a range of projects and services for public and private clients. Projects and services include infectious disease diagnostics, biosurveillance, genomics, microbiology, virology and forensics.

#### **Description / Profile - Key Responsibilities:**

As a bioinformatician with experience in NGS, you will be responsible for analysing, interpreting and extracting key information from the next generation sequencing data obtained. You will perform tasks such as:

- Performing bioinformatic analyses of next-generation sequencing (NGS) data using specialised tools and algorithms.
- Interpreting and analysing the results to provide valuable information for projects and services.
- Development of pipelines and workflows for the processing and analysis of biological and epidemiological data.
- Work with the team to solve complex scientific challenges as required by projects and services.

- Keep abreast of the latest technologies and developments in bioinformatics and genomics.
- Provide technical support for NGS data analysis software, assist in the analysis of NGS data, perform statistical analysis and produce high quality scientific reports.
- Install, configure and troubleshoot NGS software.
- Managing the IT infrastructure (including servers, networks, hardware and software equipment, data storage).
- Writing operating procedures.
- Reporting to the Laboratory Coordination Team.

### Requirements:

We are looking for someone who is enthusiastic, mission driven, highly organised and motivated to join an excellent, innovative and high impact project.

You will need to demonstrate exceptional bioinformatics/computational skills in molecular biology and genomics.

What we are looking for

- An academic background in bioinformatics, computational biology, biology, genetics or a related field.
- Experience of working in a corporate environment (preferred but not essential);
- Proven experience in the processing and analysis of sequencing data, preferably NGS sequencing.
- Knowledge of bioinformatics analysis tools and pipelines.
- Knowledge of programming languages such as Python, R, Perl, Java or Bash.
- Experience working with genomic databases such as UCSC Genome Browser, Ensembl, dbSNP, PATRIC, etc.
- Experience of high performance/high availability computing (preferential, but not exclusive).
- Strong problem solving, communication and team working skills.
- Ability to manage deadlines and priorities in a dynamic environment.
- Ability to be resilient and flexible in new situations.
- Ability to work autonomously and independently, with a good command of written and spoken English.

### What we offer:

We offer a stimulating and collaborative working environment, with the opportunity to work on cutting-edge projects and contribute to important scientific discoveries with high societal impact.

Place of work: Faculty of Science, University of Lisbon, Lisbon, Portugal.

A detailed CV, letter of motivation, certificates of academic qualifications and professional experience should be sent. Applications should be sent to [fmsilva@ciencias.ulisboa.pt](mailto:fmsilva@ciencias.ulisboa.pt)



If you want to take on exciting challenges and be part of a team dedicated to the field of biological risk and genomics, please reply to this advertisement with the subject line 'Bioinformatics - NGS'.

We look forward to your application!